Table 3. Epigenetic and epidemiological values in monozygotic twins

Twin code	Sex	Weight (Kg)   H	Height (cm)	Monozygosity	Aging (ESD)	Health (ESD)	AIMS	Xi	% 5mC	% Ac0-H4	% Ac0-H4	% Ac1-H4	%Ac2-H4	% Ac3-H4	% Ac4-H4	% Ac0-H3	% Ac1-H3	% Ac2-H3	% Ac3-H3	% Ac4-H3
1a	F	54	163	99,9	0,06	1,05	5	D-S-Xi	3,34	38,09	38,09	54,77	6,25	0,77	0,13	63,48	19,21	11,58	1,89	3,84
1b 2a	F	54 58	163 161	99,1	0,04	0,84	62	D-S-Xi NI	3,58 4,82	36,06 32,27	36,06 32,27	56,67 61,24	6,68 5,76	0,31 0,00	0,28 0,74	61,82 52,80	23,91 37,31	13,18 9,89	0,71 0,00	9,00 0,00
2b	F	53	158	00,1	0,04	0,04	02	NI	3,60	37,21	37,21	55,30	7,41	0,08	0,00	50,31	31,04	18,65	0,00	0,00
3a	F	50	160	99,9	0,00	00,00	6	B-Xi	3,69	37,43	37,43	55,43	5,74	0,00	1,40	45,14	39,66	15,21	0,00	0,00
3b 4a	M H	50 78	158 177	99,9	0,34	1,09	10	B-Xi NA	3,62 2,96	37,29 34,96	37,29 34,96	55,99 56,56	5,98 7,34	0,07 1,14	0,68 0,00	45,30 50,58	31,80 29,27	21,91 19,09	0,28 0,21	0,70 0,86
4b	M	82	176	·				NA	3,66	39,29	39,29	53,29	6,68	0,74	0,00	54,43	27,32	17,75	0,50	00,0
5a 5b	F	60 53	165 163	99,9	0,01	0,05	9	B-Xi B-Xi	4,15 3,96	39,43 36,84	39,43 36,84	48,81 55,71	10,09 6,78	0,12 0,12	1,56 0,56	44,77 49,77	34,69 30,54	19,69 19,15	0,84 0,54	00,0 00,0
6a	F	46	149	99,9	0,03	0,85	2	C-S-Xi	3,81	36,09	36,09	58,84	4,84	0,12	0,38	52,87	29,39	17,33	0,34	0,00
6b	F	46	150	00.0	0.00	0.05		C-S-Xi	3,82	36,37	36,37	58,59	4,67	0,12	0,25	52,05	30,92	15,96	1,07	0,00
7a 7b	M M	63 68	164 164	99,9	0,33	0,65	9	NA NA	3,28 3,70	28,78 36,79	28,78 36,79	60,81 52,59	8,64 9,96	0,90 0,66	0,87 0,00	57,42 49,91	26,44 23,86	15,54 25,12	0,60 1,11	00,0 00,0
8a	М	72	170	99,9	0,09	0,47	8	NA	4,04	41,67	41,67	52,18	5,18	0,38	0,58	56,91	25,79	16,47	0,83	00,0
8b 9a	M	75 53	169 170	99,9	0,21	0,97	5	NA D-S-Xi	3,73 3,01	39,08 35,42	39,08 35,42	54,30 57,47	5,54 5.11	0,46 1,82	0,62 0,18	56,14 58,38	23,50 25,28	19,93 16,11	0,43 0,24	00,0 00,0
9b	F	55 55	170	55,5	0,21	0,57	5	D-S-Xi	2,74	34,64	34,64	57,47 59,13	5,11 5,82	0,14	0,16	63,89	23,40	11,83	0,24	0,00
10a	F	53	168	99,9	0,12	1,30	5	B-Xi	3,80	32,24	32,24	59,88	6,61	0,51	0,76	63,17	28,23	7,82	0,27	0,51
10b 11a	F M	54 79	166 180	99,9	0,03	1,35	27	B-Xi NA	3,65 4,79	35,76 36,76	35,76 36,76	58,16 55,88	5,64 5,72	0,21 0,00	0,23 1,64	58,21 66,00	26,51 20,53	14,59 13,34	0,05 0,11	0,65 0,03
11b	M	78	180					NA	4,20	33,18	33,18	60,01	6,81	0,00	0,00	63,26	22,99	13,69	0,05	0,01
12a	F	60	162 164	99,9	0,13	0,87	7	NI	3,94 3.75	37,55 39,70	37,55 39,70	53,74 55.24	8,05 5.41	0,00	0,66	58,00 58,59	23,49	17,97	0,36 0.27	0,18
12b 13a	M M	61 61	164 181	99,9	0,06	0,49	17	NA NA	3,75 4,81	38,70 33,50	38,70 33,50	55,24 61,34	5,41 4,95	0,22 0,09	0,43 0,11	58,59 53,38	22,60 25,99	18,49 20,47	0,27 0,02	0,06 0,14
13b	М	65	183					NA	4,30	35,22	35,22	56,94	7,71	0,00	0,13	53,94	25,64	20,10	0,25	80,0
14a 14b	M M	64 72	185 183	99,9	0,02	0,85	1	NA NA	3,69 3,65	32,38 33,33	32,38 33,33	58,86 60,67	8,76 5,69	0,00 0,21	0,00 0,10	60,61 60,07	21,96 22,13	17,02 17,06	0,29 0,47	0,11 0,27
15a	M	14	51	99,9	0,03	0,80	5	NA	2,37	45,86	45,86	47,15	5,58	0,00	1,40	41,88	38,58	16,67	2,17	0,69
15b	M	15	53 165	00.0	0.40	1 70	24	NA P Vi	2,56	45,95	45,95	47,14 54.70	6,22 5.10	0,15	0,54	41,67 54.69	38,46	18,26 17.09	1,25	0,35
16a 16b	F	65 62	165 164	99,9	0,16	1,73	21	B-Xi B-Xi	2,92 2,59	39,50 42,95	39,50 42,95	54,79 54,35	5,12 2,35	0,08 0,35	0,50 0,00	54,68 57,50	27,90 24,07	17,08 18,10	0,31 0,26	0,03 0,06
17a	F	43	156	99,9	0,27	0,71	8	B-Xi	3,70	40,33	40,33	55,21	4,23	0,11	0,12	63,63	23,99	11,69	0,45	0,24
17b 18a	F	44 67	158 162	99,9	0,08	1,11	22	B-Xi B-Xi	3,61 2,85	36,07 33,30	36,07 33,30	58,73 60,43	4,51 4,99	0,43 0,53	0,26 0,75	64,83 40,20	24,24 50,81	10,55 8,99	0,20 0,00	0,18 0,00
18b	F	67	163	33,3	0,00	1,11	22	B-Xi	3,27	28,59	28,59	63,67	5,53	1,81	0,73	47,63	41,80	10,56	0,00	0,00
19a	М	79	166	99,9	0,39	0,46	1	NA	2,57	29,25	29,25	61,43	4,26	4,60	0,46	53,85	28,93	17,22	0,00	0,00
19b 20a	M F	77 19	166 88	99,9	0,00	0,67	1	NA B-Xi	2,63 3,39	29,57 49,78	29,57 49,78	60,63 44,59	4,15 3,11	5,27 2,30	0,37 0,22	52,19 48,78	28,62 30,82	17,16 20,40	2,04 0,00	00,0 00,0
20b	F	18	87					B-Xi	3,44	50,29	50,29	44,88	3,43	1,33	0,06	51,00	30,49	18,51	0,00	0,00
21a 21b	F	57 49	170 168	99,9	0,00	0,13	7	B-Xi B-Xi	3,43 3,31	32,92 31,50	32,92 31,50	61,37 57,92	3,71 4,40	2,00 5,61	0,00 0,57	67,29 65,79	18,77 24,01	13,94 10,20	00,0 00,0	00,0 00,0
22a	F	55	159	99,9	0,06	0,23	2	NI	3,17	33,09	33,09	59,17	4,49	2,87	0,38	70,15	18,79	11,05	0,00	00,0
22b 23a	F M	55 86	160 174	90,1	0,33	1,68	75	NI NA	3,48	39,61 42,16	39,61 42,16	52,75 54.20	4,59	2,75	0,31 0,00	69,14	20,01	10,85	0,00	00,0
23a 23b	M	82	174	30,1	0,33	1,00	75	NA NA	3,63 3,21	37,31	37,31	51,30 56,30	4,21 5,20	2,33 1,19	0,00	71,16 60,20	20,10 29,60	6,70 8,40	2,04 1,80	00,0 00,0
24a	F	50	158	98,6	0,19	80,0	21	B-Xi	3,76	28,58	28,58	64,83	4,80	1,29	0,50	67,63	19,61	12,76	0,00	0,00
24b 25a	F	52 60	159 169	99,9	0,09	2,34	10	B-Xi D-S-Xi	4,35 3,57	30,63 39,17	30,63 39,17	61,32 53,30	4,22 6,12	2,15 0,63	1,69 0,78	74,75 66,08	16,63 23,93	8,62 9,99	00,0 00,0	00,00 00,0
25b	F	57	168					D-S-Xi	3,30	37,73	37,73	56,10	5,28	0,32	0,56	67,69	18,70	13,62	00,00	0,00
26a 26b	F	55 57	160 163	99,9	0,02	1,73	28	B-Xi B-Xi	3,16 3,72	39,34 41,00	39,34 41,00	55,80 54,35	3,96 3,48	0,90 0,95	0,00 0,21	60,39 64,58	27,20 24,70	12,41 10,72	00,00 00,0	00,0 00,0
27a	M	72	172	99,9	0,03	0,01	11	NA	3,42	24,87	24,87	62,79	3,40 8,53	3,41	0,40	63,46	22,30	14,24	0,00	0,00
27b	M	78 G4	173	00.0	0.00	0.00	7	NA NA	3,15	26,48	26,48	62,93	6,78	3,37	0,45	67,24	20,29	12,23	0,23	0,00
28a 28b	M M	64 64	170 170	99,9	00,00	00,00	7	NA NA	3,86 4,06	31,66 30,52	31,66 30,52	59,38 59,39	5,00 5,01	3,63 4,79	0,32 0,29	62,80 61,81	20,54 19,60	16,67 18,60	00,00 00,0	00,0 00,0
29a	M	90	182	99,9	0,11	1,13	9	NA	4,00	31,39	31,39	59,21	5,20	3,25	0,95	65,08	17,97	16,95	0,00	0,00
29b 30a	M M	80 60	182 170	99,9	0,01	0,05	19	NA NA	3,83 3,65	32,69 27,89	32,69 27,89	58,87 63,83	4,87 4,59	3,08 2,84	0,49 0,85	64,35 65,84	21,43 18,94	14,23 15,22	00,0 00,0	00,0 00,0
30b	M	56	169	·				NA	4,06	29,76	29,76	62,52	4,69	2,61	0,43	69,55	17,68	12,77	0,00	0,00
31a 31b	M M	67 67	166 166	99,9	0,63	0,39	14	NA NA	3,06 3,45	31,87 31,71	31,87 31,71	58,55 59,82	4,60 5.29	4,66 2.50	0,33 0,68	74,02 75,79	15,29 15,51	10,69 8,70	00,0 00,0	0,00 00.0
31b 32a	F IVI	48	150	99,9	0,06	0,22	26	B-Xi	3,45 3,49	31,71	31,71	59,82 57,19	5,29 8,06	2,50 2,87	0,88	75,79 52,16	34,61	13,23	0,00	00,0 00,0
32b	F	48	150					B-Xi	3,99	37,65	37,65	55,22	4,45	2,34	0,34	53,45	28,19	18,36	0,00	00,0
33a 33b	M M	74 71	170 170	94,1	1,21	0,49	70	NA NA	3,81 4,73	32,80 30,86	32,80 30,86	56,97 59,94	7,90 5,51	1,99 3,53	0,33 0,16	52,62 60,25	30,72 22,00	16,66 17,76	00,0 00,0	00,0 00,0
34a	F	43	157	99,9	0,16	0,13	8	C-S-Xi	3,28	40,24	40,24	49,61	5,44	4,55	0,16	56,99	31,31	11,70	00,00	00,0
34b 35a	F	43 70	159 167	99,9	0,30	0,84	2	C-S-Xi B-Xi	3,35 4,64	40,90 38,38	40,90 38,38	52,42 52,99	4,51 4,40	1,35 2,03	0,81 2,20	54,02 73,21	33,91 18,46	12,07 7,66	0,00 8a,0	00,00 00,0
35a 35b	F	70 55	161	99,9	0,30	0,04	2	B-XI B-Xi	4,64 3,77	36,36 35,64	36,36 35,64	52,99 57,78	4,40 3,93	2,03 1,56	2,20 1,09	73,21 71,07	19,94	7 ,00 8,99	0,00	0,00
36a	F	58	153	99,9	0,55	0,53	5	B-Xi	3,60	37,21	37,21	57,76	3,98	1,05	0,00	67,76	20,52	11,72	0,00	0,00
36b 37a	F	60 39	152 134	99,9	0,20	0,19	7	B-Xi B-Xi	3,77 3,70	39,01 40,65	39,01 40,65	50,80 44,47	4,24 5,88	1,65 6,56	4,30 2,44	66,21 60,02	22,42 28,00	11,36 11,98	00,0 00,0	00,00 00,0
37b	F	34	131					B-Xi	3,88	38,14	38,14	52,78	4,23	2,14	2,72	65,62	23,75	10,63	00,00	0,00
38a 38b	<u> </u>	58 59	174 171	99,9	0,01	00,00	1	B-Xi B-Xi	3,57 3,51	36,78 36,56	36,78 36,56	55,22 55,87	6,48 4,80	1,21 2,49	0,30 0,28	64,78 64,58	24,52 23,79	10,70 11,63	00,00 00,0	00,0 00,0
39a	F	54	167	99,9	0,54	0,72	3	B-Xi	3,55	32,22	32,22	60,35	5,58	1,68	0,17	56,17	27,85	15,98	0,00	0,00
39b	F M	55 74	168 171	00.0	0,58	2 57	67	B-Xi NA	3,62 4,65	31,97 41.13	31,97 41.13	61,89 48.99	4,84 6.48	1,09 3.01	0,20	57,35 60.14	26,86 23,96	15,80 15,90	0,00	00,0
40a 40b	M	74	171 173	99,9	0,00	2,57	0/	NA NA	4,65 3,63	41,13 26,37	41,13 26,37	48,99 61,44	6,48 7,78	3,01 2,77	0,40 1,64	60,14 71,75	23,96 18,74	15,90 8,59	0,00 0,92	00,0 00,0
						-							•							•

Sex: M, male; F, female. Monozygosity, probability of monozygosity using five highly polymorphic short tandem repeat loci. ESD, Euclidean squared distance. AIMS, Amplification of Inter-Methylated Sites; the number of differentially methylated bands within pairs are shown. Xi, X-chromosome inactivation pattern; NA, not applicable; NI, not informative; B-Xi, balanced pattern of X-chromosome inactivation; C-S-Xi, concordant-skewed pattern of X-chromosome inactivation; D-S-Xi discordant-skewed pattern of X-chromosome inactivation. % 5mC, relative 5-methylcytosine DNA levels. Ac(0-4)-H4, relative non-, mono-, di-, tri-, and tetraacetylated histone H4 levels. Ac(0-4)-H3, non-, mono-, di-, tri- and tetraacetylated histone H3 levels.